

รายงานผลการจำแนกจุลินทรีย์  
 IDENTIFICATION'S REPORT

ชื่อผู้ขอรับบริการ / Customer's name: นางอัญญา ภิญญรัตน์โชติ	เลขที่ / No. : MY07-08
องค์กรและที่อยู่ / Institute and address: บริษัท โปรร็อบไอติกแอนด์เฮอรับล จำกัด 59 ม.5 ต.ชะเมา อ.ปากพะนึ่ง จ.นครศรีธรรมราช 80330	วันที่ได้รับตัวอย่าง / Sample receive date : 10 กรกฎาคม 2558 วันที่รายงานผล/ Report date: 21 ส.ค. 2558

ลำดับที่ No.	รหัสตัวอย่าง Sample No.	วิธีการจำแนกชนิด Method of identification	ผลการเปรียบเทียบความเหมือนของลำดับเบสนิวคลีโอไทด์ BLAST result	% ความเหมือน % similarity	หมายเหตุ Note
1	WY2/7	อนุชีววิทยา	<i>Fomitopsis cf. meliae</i>	99%	ITS1/ITS4
			<i>Fomitopsis meliae</i>	99%	LROR/LR5

โปรดทำเครื่องหมาย  ในช่อง  ที่ต้องการ

เอกสารแนบ:

- วิธีการวิเคราะห์  ลำดับนิวคลีโอไทด์  ข้อมูลการเปรียบเทียบความเหมือนของลำดับนิวคลีโอไทด์  
 อื่นๆ (โปรดระบุ) .....

ผู้ปฏิบัติงาน

สลิลาพร นวลแก้ว

(นางสาวสลิลาพร นวลแก้ว)

ผู้รายงานและวิเคราะห์ผล

สลิลาพร นวลแก้ว

(นางสาวสลิลาพร นวลแก้ว)

Disclaimer:

ผลการตรวจสอบเป็นผลจากการตรวจสอบสำหรับชิ้นตัวอย่างที่ได้รับภายใต้สภาวะที่ระบุไว้เท่านั้น ไม่สามารถคาดการณ์ผลที่นอกเหนือจากนี้ได้ ทั้งนี้ศูนย์พันธุวิศวกรรมและเทคโนโลยีชีวภาพแห่งชาติ (ไบโอเทค) จะไม่รับผิดชอบต่อการกระทำหรือความเสียหายใดๆที่เกิดจากข้อมูลนี้ และโปรดทราบว่าศูนย์ฯไม่ใช่นายงานที่มีอำนาจในการรับรองผลการตรวจสอบใดๆทั้งสิ้น ตลอดจนไม่อนุญาตให้ใช้ชื่อ ตราหรือสัญลักษณ์ของศูนย์ฯในการกล่าวอ้างใดๆทั้งสิ้น เว้นแต่ได้รับอนุญาตเป็นลายลักษณ์อักษรเท่านั้น

The results reported herein are for the test specimens and specified condition only and cannot be used to certify the goods not tested. National Center for Genetic Engineering and Biotechnology (BIOTEC) will not take any responsibility for any consequence or damage, which may result from this information. Please note that BIOTEC is not a certification body. Use of the Center name or symbol (Logo) in any case without written permission is prohibited.

## MOLECULAR TECHNIQUE

### DNA extraction

Genomic DNA was extracted from fresh mycelia using E.Z.N.A. Forensic DNA Isolation Kit (Omega Bio-Tek), following the manufacturer's manual.

### PCR: ITS

The internal transcribed spacer (ITS) region was amplified in a 50- $\mu$ l reaction volume containing 1X buffer, 2.5 mM MgCl<sub>2</sub>, 0.2 mM dNTPs, 0.2  $\mu$ M of each primer (ITS5 and ITS4), and 1 U *Taq* DNA polymerase. The PCR temperature profile began with an initial denaturation at 96°C for 2 min, followed by 35 cycles of 96°C for 1 min, 53°C for 1 min and 72°C for 1:30 min. The final extension was carried out for 10 min at 72°C.

### PCR: LSU

The large subunit (LSU) nuclear ribosomal DNA region was amplified in a 50- $\mu$ l reaction volume containing 1X buffer, 2.5 mM MgCl<sub>2</sub>, 0.2 mM dNTPs, 0.2  $\mu$ M of each primer (LROR and LR7), and 1 U *Taq* DNA polymerase. The PCR temperature profile began with an initial denaturation at 95°C for 2 min, followed by 35 cycles of 95°C for 1 min, 53°C for 1:30 min and 72°C for 2:30 min. The final extension was carried out for 10 min at 72°C.

### Gel Electrophoresis and Sequencing

PCR product was checked by 1% agarose gel electrophoresis, stained with ethidium bromide, and visualized under ultraviolet (UV) transilluminator. The PCR product was sent to be sequenced for both directions on an automated DNA sequencer (Macrogen Inc., Korea).